射影勾配法による円錐型交差 hyperline の探索

(筑波大院数理) ○隅田 真人, 高橋 央宜, 齋藤 一弥

【序論】光化学反応過程を議論する際、同じスピン多重度をもつ二つの状態が縮退した点は、効率的な無放射遷移を可能にするため重要である.そのような縮退点では縮退を解く二つの内部自由度(gradient difference vector, GD; derivative coupling vector, DC)が存在する.この自由度に関する変位に対して、ポテンシャルエネルギー曲面(potential energy surface, PES)が円錐形になることから、縮退点は円錐型交差(conical intersection)と呼ばれる.しかし、GDとDCが張る面に直交する n-2 次元の空間では縮退が解けることは無い(n は分子の内部自由度の数).つまり、縮退点は独立した一点ではなく連続した空間を形成する.この縮退空間を本講演ではhyperline と呼ぶ.hyperline 上の最もエネルギーの低い点(lowest energy degeneracy point, LEDP)での円錐型交差は、光化学、光物理過程を議論する上で重要視されてきた.事実、LEDPでの構造を求めるいくつかのアリゴリズムが開発されている.その中でも射影勾配法[1]は計算コストの面からも手軽であり、広く用いられてきた.しかし、近年、いくつかの分子について、垂直励起構造から始まる励起状態反応経路が、LEDP からかなり離れたところでhyperline に到達することが示されている.このため、hyperline を探索し、光化学反応における役割を明らかにすることが必要となる.本講演では射影勾配法に基づいて、hyperline を結合長、結合角、二面角に対して探索する簡便な手法を報告する.

【方法】射影勾配法では、次のエネルギー勾配 g^{CIO} を用いる.

$$\boldsymbol{g}^{\text{CIO}} = \boldsymbol{g}^{\text{proj}} + \boldsymbol{g}^{\text{diff}} \tag{1}$$

 g^{proj} と g^{diff} は次のように定義される.

$$\mathbf{g}^{\text{proj}} = \mathbf{P} \frac{\partial E_1}{\partial \mathbf{q}}$$
 (2)
$$\mathbf{g}^{\text{diff}} = 2(E_1 - E_0) \frac{\mathbf{x}_1}{\sqrt{\mathbf{x}_1 \cdot \mathbf{x}_1}}$$
 (3)

ここで、 E_1 と E_0 はそれぞれ、上の状態と下の状態のエネルギーである. q は核座標、 x_1 は GD であり、Pは GD と DC の自由度を分子の内部自由度 n から引き抜き、n-2 次元の空間に射影する演算子である. g^{proj} は、上の状態に対して n-2 次元の空間で構造最適化する役割を担う. 一方、 g^{diff} は二つの状態のエネルギー差をゼロにする効果を持つ. しかし、ある自由度を制限した下で(1)式を用いて構造最適化を行うと、二つのエネルギーが縮退した点に収束しないことがある. これは実際に縮退した点が無いというわけではなく、次の理由による.

(1)の勾配から、制限した自由度を引き抜く射影演算子を \mathbf{P}_{con} として、 $\mathbf{g}^{CIO}=0$ となる点では

$$\mathbf{P}_{\text{con}}(\boldsymbol{g}^{\text{proj}} + \boldsymbol{g}^{\text{diff}}) = 0 \tag{4}$$

が成り立つ.このとき、 g^{diff} が制限された自由度と重なりを持つと、

$$\mathbf{P}_{\text{con}}(\mathbf{g}^{\text{proj}} + \mathbf{g}^{\text{diff}}) = \mathbf{P}_{\text{con}}\mathbf{g}^{\text{proj}} + \mathbf{P}_{\text{con}}\mathbf{g}^{\text{diff}} = 0$$
 (5)

つまり、 $\mathbf{g}^{\text{proj}} = -\mathbf{g}^{\text{diff}} \neq 0$ である。 $\mathbf{g}^{\text{diff}} \neq 0$ ($E_0 \neq E_1$) なので、縮退点に収束しない (制限した自由 度の値が LEDP での値に一致する場合を除く)。そこで、この射影勾配法の欠点を避けるために、次のような勾配 \mathbf{g}_{α} を考える。

$$\mathbf{g}_{a} = \alpha \mathbf{g}^{\text{proj}} + \mathbf{g}^{\text{diff}} \tag{6}$$

αは初期値が 1 であるスケール因子である. (6)式において $\alpha \to 0$ とすると, $\mathbf{g}_{\alpha} \to \mathbf{g}^{\text{diff}}$ となる. したがって, α を徐々に小さくしながら, 多段階の構造最適化を行えば, 内部自由度を制限した hyperline 上の最適化が可能になる. 実際には, 次のような二段階の最適化を行ったところ, hyperline のスキャンには十分であることが分かった.

一段階目:構造に制限を課し、(1)式の勾配 g^{CIO} を用いて構造最適化.得られた構造のエネルギーが縮退していなければ、次の二段階目を行う.

二段階目:構造の制限はそのままで、(3)式の gdiff のみ用いて再度構造最適化.

【計算】レチナールプロトン化シッフ塩基 (RPSB) の最小モデル分子であるペンタ-2,4-ジェニミニウム (PDI) とフルベンについて上記方法を適応した. 計算は GAUSSIAN 98 に含まれる 状態平均 CASSCF 法を用いた. 両分子とも, active space は 6 電子 6 軌道を用いた. 基底関数 は PDI に $6-31G^*$, フルベンには cc-pVDZ を用いた.

【結果】PDIの光異性化 (図 1) について、C1-C2-C3-C4の二面角 (θ) に沿って第一励起状態 (S_1) PES を一次元スキャンした結果を図 2 に示す. この計算は、 S_1 と S_0 が離れている領域では通常の構造最適化を行い、縮退領域については上

図 1: RPSB のモデル分子 PDI の光異性化反応. C1-C2-C3-C4 の二面角を θ と定義する.

記方法を用いて行った. スキャンは Z-PDI (θ = 0°) の S_1 状態の C_s 平面最適化構造から始め, E-PDI (θ = 180°) の S_1 状態 C_s 平面最適化構造まで行った. \mathbf{g}^{CIO} のみを用いて求まる LEDP の 構造は θ = 90°付近の構造であるが,図 2 に示したように, θ = 45°付近から S_1 状態が S_0 状態と交差する. このことから, $S_1 \rightarrow S_0$ の遷移が, θ = 45°前後から可能であると言える. この結果は,Weingart らによるダイナミクス計算の結果[2]ともほぼ一致する. 当日は,フルベンの 環外メチレン基の回転に対する hyperline 探索の結果も報告する.

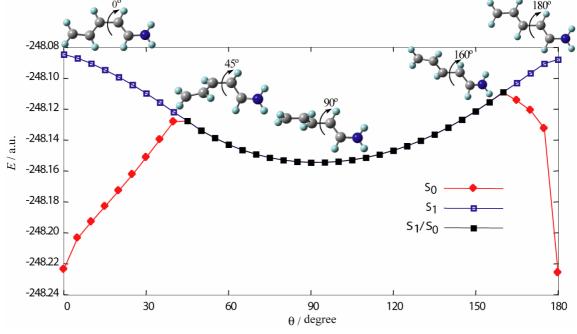


図 2: PDI の S_1 PES を θ に沿ってスキャンした結果.

- [1] M. J. Bearpark, M. A. Robb, and H. B. Schlegel, Chem. Phys. Lett. 223, 269 (1994).
- [2] O. Weingart, A. Migani, M. Olivucci, M. A. Robb, B. Buss, and P. Hunt, J. Phys. Chem. A 108, 4685 (2004).