## S<sub>0</sub>および S<sub>1</sub> 状態にある OEC の反応活性部位の構造と電子状態 に関する理論化学計算

(三重大院工) ○市野智也, 三谷昌輝, 吉岡泰規

[序] 生物系の酸化還元反応を触媒する多くの酵素には遷移金属が含まれている。太陽光を利用して水分子を酸化させる植物の反応中心は光化学系 II と呼ばれ、水二分子から酸素分子への四電子酸化反応を触媒する反応活性複合体、酸素発生複合体(OEC)が存在している。OEC は 4 つの Mn イオンからなる  $Mn_4CaO_4$  複合体である。その触媒サイクルは Kok らにより、 $S_0$  から  $S_4$  までの 5 つの状態を経て、 $S_4$  から  $S_0$  の遷移のとき  $O_2$  が放出すると提案されている(図 1)。OEC の構造は X 線の分解能が低いためによくわかっていないが、本研究では反応活性中心にキュバン様  $Mn_3CaO_4$  をもつ 3.5 Å の分解能の X 線構造(PDBid: 1S5L)を採用した(図 2)。 $S_0$  状態の Mn イオンの価数は(II, III, IV, IV)あるいは(III, III, III, IV)が提案されているが、どちらの組み合わせであるかわからないうえ、どの Mn イオンがどの価数であるかも特定されていない。本研究では、 $S_0$  と  $S_1$  状態の OEC の反応活性部位の構造および電子状態について検討した。

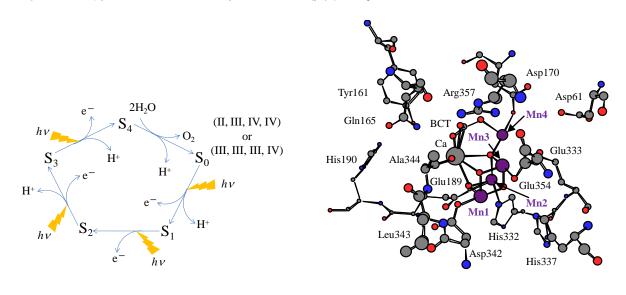


図 1. Kok サイクル

図 2. X 線構造(PDBid: 1S5L)

[計算方法] 検討したモデルは、図 2 の X 線構造から Asp342、Glu189、Glu354、Glu333 はギ酸イオン、Asp170 は酢酸イオン、His332、His190、His337 はイミダゾール基、Tyr161 はフェノール基、BCT は炭酸イオン、Ala344 は C 末端、Leu343 はプロパン、Arg357 はプロトン化したグアニジノ基、Asp61 は酢酸、Gln165 はホルムアミドとしてモデル化した。Mn イオンに対して六配位を満たすよう水分子を加えたものを  $S_0$  状態(全電荷は 0)と想定した。 $S_1$  状態への遷移では、一電子酸化された Tyr161 は Mn クラスターにより還元され、同時に Asp61 からプロトンが放出される [1]。それに対応するように Mn4 に配位する水分子からプロトンを取り除き、全電子数が 1 少ないものを  $S_1$  状態(全電荷は 0)と想定した。構造最適化は、Tミノ酸残基のペプチド結合につながる原子を固定し、低スピン(LS)状態の OEC に対して Broken Symmetry 法を用いた UB3LYP 法によって実行された。 $S_0$  と  $S_1$  状態のスピン多重度はそれぞれ 2 と 1

の DZ を、C、N、O、Ca、H に 6-31G\*を用いた。全ての計算には Gaussian 03 を使用した。

[結果・考察] 表 1 に検討した  $S_0$ ,  $S_1$ 状態と X 線構造における OEC の  $M_0$ - $M_0$  距離を示す。 X 線構造は暗所安定である  $S_1$  状態に対応しており、 $M_0$ - $M_0$ -M

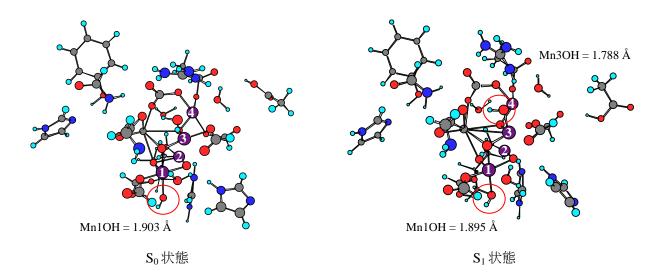


図 3. OEC の途中構造

表 1. 検討した  $S_0$ ,  $S_1$  状態と X 線構造における OEC の Mn–Mn 距離(Å).

	Mn1–Mn2 <sup>a</sup>	Mn1–Mn3 <sup>a</sup>	Mn2–Mn3 <sup>a</sup>	Mn3–Mn4 <sup>b</sup>
$S_0$	2.785	2.897	3.016	3.374
$S_1$	2.838	2.865	2.882	3.271
X-ray	2.648	2.669	2.718	3.255

<sup>&</sup>lt;sup>a</sup> Mn–di- $\mu$ -oxo–Mn

## [参考文献]

[1] M. H. V. Huynh et al., Chem. Rev. 107, 5004 (2007).

<sup>&</sup>lt;sup>b</sup> Mn–mono-μ-oxo–Mn