## 2P108

## リン脂質スフィンゴミエリン分子の構造とNMRスペクトルに関する 理論的研究

○杉森 公一<sup>1</sup>,川辺 弘之<sup>1</sup>,長尾 秀実<sup>2</sup>,西川 清<sup>2</sup> (<sup>1</sup>金城大・社福・<sup>2</sup>金沢大院・自然)

【序】リン脂質スフィンゴミエリン(SM)は、生体膜の構成要素の1つであり脳や神経組織 に多く含まれる。この代謝物質はアポトーシスや老化に関わり、発達過程に重要なシグナル 物質としての役割を担っていることが示唆されている。Yappertらは、白内障患者の水晶体か ら取り出した試料からスフィンゴミエリン分子の構造を帰属し[1]、経年劣化によるカルシウ ムイオン濃度の上昇により秩序を持つことを指摘している[2]。実験で得られた IR スペクトル には、アミド基の非対称伸縮振動由来であるブロードなピーク(1600 cm<sup>-1</sup>)の長波長側へのシフ トがみられる[3]。最近我々は、スフィンゴミエリン分子について密度汎関数計算による構造 最適化および基準振動解析から得られた IR スペクトルの計算値と先行実験とを比較し、その 立体構造とカルシウムイオンの影響について報告した[4]。本研究では、密度汎関数計算によ る構造最適化および基準振動解析から得られたスフィンゴミエリンの構造異性体について NMR-GIAO計算を行い、実験との比較・議論を行う。



Figure 1. Chemical structure of sphingomyelin and the truncated model.

【計算方法】スフィンゴミエリンは、疎水性のスフィンゴシンとアシル基、親水性のホスホ コリンを持つ(Figure 1)。疎水基の2つの炭化水素鎖には種々の立体配座が考えられるが、モ デル分子としてスフィンゴシン 7-C 位およびアシル基 3-C 位で打ち切った構造を用いた (Figure 1)。密度汎関数法による電子状態計算および構造最適化を行った。ここでは B3LYP 断熱結合相関交換汎関数と 6-31G(d,p)基底関数を用いた。基準振動解析により IR 振動数およ び安定構造の判定を行った。得られた最適化構造について<sup>31</sup>P-NMRの実験結果と比較するた めに、RHF/6-311+(2d,p)および B3LYP/6-311+G(2d,p)の各計算レベルによる NMR-GIAO 計算を 行った。構造最適化計算および基準振動解析計算には GAMESS-US コード[5]を用い、 NMR-GIAO 計算には Gaussian 03[6]および GAMESS-US を用いた。

【結果】B3LYP/6-31G(d,p)構造最適化および振動解析の結果、分子内水素結合をカルボニル基 ーヒドロキシ基間に持った安定構造(1)と、アミドーヒドロキシ基間およびホスホコリンーヒ ドロキシ基間に分子内水素結合を持たない安定構造(2)が得られた。また、それらに対応する 水素付加誘導体ジヒドロスフィンゴミエリン(DHSM)についても同様の安定構造(1')および (2')が得られた。以下に最適化構造を示す(Figure 2)。



Figure 2. Optimized structures of 1 and 2 by B3LYP/6-31G(d,p).

NMR-GIAO 計算結果のうち、B3LYP/6-311+G(2d,p)で得られた<sup>31</sup>P-NMR の絶対遮蔽定数を Table 1 に示す。1 から1'および 2 から 2'への水素付加による構造変化は、0.1 ppm オーダーの わずかなシフトを示しており、実験のオーダーと一致している。ただし、シフトの方向性は 逆転しており、計算レベルや構造変化による影響を詳細に分析する必要性が見られる。 <sup>31</sup>P-NMR 実験との比較および他の計算方法との比較については、当日報告する。

|               | Isotropic NMR shielding tensor (ppm) |
|---------------|--------------------------------------|
| 1 (SM)        | 280.2941                             |
| <b>2</b> (SM) | 281.2431                             |
| 1' (DHSM)     | 280.4670                             |
| 2' (DHSM)     | 281.1091                             |

Table 1. Calculated NMR-GIAO shielding tensor (isotropic value, ppm) by B3LYP/6-311+G(2d,p).

## 【参考文献】

[1] M. C. Talbott, I. Vorobyov, D. Borchman, G. K. Taylor, D. B. Dupre, and M. C. Yappert, *Biochim. Biophys. Acta*, **1467**, 326-337 (2000).

[2] D. Tang, D. Borchman, M. C. Yappert, G. F. Vrensen, and V. Rasi, *Invest. Ophthalmol. Vis. Sci.* 44, 2059-2066(2003).

[3] M. Rujoi, D. Borchman, D. B. Dupre, and M. C. Yappert, Biophys. J. 82, 3096-3104(2002).

[4] K. Sugimori, H. Kawabe, H. Nagao, and K. Nishikawa, Int. J. Quantum Chem., in press.

[5] M. W. Schmidt, K. K. Baldridge, J. A. Boatz, S. T. Elbert, M. S. Gordon, J. H. Jensen, S. Koseki, N. Matsunaga, K. A. Nguyen, S. Su, T. L. Windus, M. Dupuis, and J. A. Montgomery, *J. Comput. Chem.*, 14, 1347-1363(1993).

[6] M. J. Frisch, G. W. Trucks, H. B. Schlegel et al. Gaussian 03, Rev. E. 01, Gaussian, Inc., Wallingford CT (2004).